

Les questions et réponses suivantes concernent la DOC 01R11-22-S009 pour des services de séquençage à haut débit, Lacombe, Alberta.

Question 1

Nos prix pour les services de préparation d'échantillons et de séquençage sont généralement ajustés une (parfois deux) fois par année en fonction des devis que nous obtenons de nos fournisseurs de réactifs. Le formulaire de proposition financière demande des prix pour un total de 4 ans. Or, nous ne savons pas quels seront les coûts au-delà de mars 2022. Comment les changements de prix seront-ils pris en compte si le contrat est prolongé au-delà de sa première année? Pouvons-nous être considérés pour cet appel d'offres si nous ne fournissons que les coûts pour la première année et si le contrat est prolongé, pouvons-nous réviser les prix à ce moment-là?

Réponse 1

Vous devez tenir compte de tous les facteurs qui pourraient influencer vos prix, et fournir des prix que vous serez en mesure d'honorer. Une fois que le prix a été soumis (et s'il est accepté pour l'attribution d'un contrat), il ne peut plus être modifié.

Question 2

L'appel d'offres précise que les données doivent être conservées pendant « au moins trois mois après l'analyse », mais il n'y a aucune précision sur la durée de conservation des données (notre politique est de trois mois). Pouvez-vous préciser quelle est la durée maximale de conservation des données?

Réponse 2

Trois mois suffisent.

Question 3

Le nom des cellules de séquençage (cuves de circulation dans la DOC) NovaSeq est indiqué comme SP, SP2, SP3 et SP4 dans la proposition financière, ce qui, je crois, correspond aux noms officiels d'Illumina SP, S1, S2 et S4, respectivement. Pouvez-vous confirmer?

Réponse 3

Oui, ce devrait être SP, S1, S2 et S4. Voir la proposition financière modifiée ci-jointe (pièce jointe n° 2 de l'annexe D).

Question 4

Pour les projets 2 (séquençage aléatoire [*shotgun*] du métagénome [séquençage en aveugle dans la DOC]), 3 (séquençage du génome bactérien entier) et 4 (séquençage de l'ARN bactérien), certaines des options de séquençage demandées généreront beaucoup plus de données

que celles précisées dans l'annexe B. Devrions-nous simplement indiquer le prix de l'option de séquençage qui correspond le mieux à la quantité de données indiquée dans l'annexe B? Suivant la même idée, les cellules de séquençage NovaSeq contiennent soit 2 soit 4 canaux, et le prix ne devrait-il pas être indiqué pour le nombre de canaux que chaque projet requiert si le projet ne nécessite pas une cellule de séquençage entière?

Réponse 4

Oui, indiquez le prix de l'option de séquençage qui correspond le mieux à la quantité de données requise décrite à l'annexe B.

Question 5

Quelles régions variables (V1, V2, V3, V4, etc.) du gène de l'ARNr 16S sont nécessaires pour ce projet?

Réponse 5

La région hypervariable V4 du gène de l'ARNr 16S sera ciblée.

Question 6

Pour le séquençage de l'ARN (projet 4) : « L'entrepreneur livrera les données de séquence avec au moins 15 millions de lectures **sens** (gauche à droite dans la DOC) (≥ 150 pb) par échantillon. » Ceci est incompatible avec les options de séquençage suivantes qui sont indiquées à l'annexe B : cellules de séquençage S1, S2 ou S4 (2 x 150 pb). Pouvez-vous préciser si le séquençage est censé être un séquençage d'extrémités appariées (2 x 150 pb) et qu'il faut un minimum de 15 millions de lectures appariées, indépendamment du fait qu'il s'agisse de lectures **sens** ou **antisens**?

Réponse 6

Il faut 15 millions de lectures sens.

Question 7

Puisqu'il s'agit d'échantillons de microbiome qui peuvent contenir de l'ADN ou de l'ARN provenant de diverses sources présentes dans l'environnement, le laboratoire qui soumet l'échantillon s'assurera-t-il que ses échantillons ont été correctement vérifiés quant à la présence d'espèces qu'il pourrait être intéressé à séquencer et qu'il a minimisé les échantillons qui pourraient contenir de l'ADN/ARN environnemental qui ne l'intéresse pas?

Réponse 7

Oui.

Question 8

Pouvez-vous préciser ce qui est attendu du rapport d'analyse au point 3.2 (plus précisément les méthodes d'analyse utilisées et les résultats de l'analyse)? Je suppose que cela n'est pas lié à l'analyse des données, qui n'est indiquée nulle part dans l'appel d'offres.

Réponse 8

C'est exact, ceci n'est pas lié à l'analyse des données. L'entrepreneur est seulement responsable de fournir les fichiers de sortie du séquençage, par exemple les fichiers fastq.

Question 9

Les échantillons d'ADN et d'ARN sont-ils considérés de niveau de confinement NC2 ou inférieur de la Norme canadienne de biosécurité?

Réponse 9

Oui.

Question 10

Quelles méthodes d'extraction d'ADN et d'ARN seront utilisées? Quelles quantités d'ADN et d'ARN seront disponibles pour la préparation des échantillons? Quelles sont les méthodes d'évaluation de la qualité de l'ADN et de l'ARN qui seront utilisées avant que les échantillons nous soient envoyés?

Réponse 10

Les méthodes d'extraction requièrent habituellement l'utilisation de trousse d'extraction commerciales avec des modifications basées sur une optimisation interne. Les quantités d'ADN et d'ARN varient selon le type d'échantillon (p. ex. matières fécales vs lait). La quantité d'ADN ou d'ARN envoyée dépendra des besoins de l'entrepreneur pour chacun des types de séquençage. L'ADN et l'ARN seront évalués à l'aide de méthodes fluorométriques (p. ex., Qubit) ainsi qu'avec un bioanalyseur et/ou un système TapeStation si nécessaire.



Pièce jointe 2 à l'annexe D sur la proposition financière

Modification 001 – 13 juillet 2021

AAC n'acceptera pas de prix distincts relativement à d'autres coûts. Tous les coûts associés aux travaux doivent être inclus dans le prix unitaire ferme (taxes applicables en sus).

La colonne B (prix unitaire offert) et la colonne C (prix calculé) doivent être remplies avec une valeur en dollar pour tous les éléments, sous peine de voir la proposition jugée irrecevable.

Les estimations fournies à la colonne A serviront à évaluer les coûts et ne constituent pas une garantie ou un engagement de la part du Canada quant à l'attribution des travaux. Les utilisations réelles pourraient différer des montants indiqués ci-dessous pour chaque année.

PRIX POUR LA PÉRIODE INITIALE DE L'OFFRE À COMMANDES (1 AN)

1. SÉQUENÇAGE DU GÈNE DE L'ARNr 16S				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	PCR (par échantillon)	388	_____/ \$/ échantillon	
0,2	Codage à barres des amplicons (par échantillon)	388	_____/ \$/ échantillon	
0,3	Normalisation des amplicons (par échantillon)	388	_____/ \$/ échantillon	
0,4	Contrôle de la qualité de la bibliothèque d'amplicons (par bibliothèque)	1	_____/ \$/ bibliothèque	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,5	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 300 bp	1	_____/ \$/ Cycle	
0,6	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 250 bp	1	_____/ \$/ Cycle	
Total				T1



2. SÉQUENÇAGE MÉTAGÉNOMIQUE EN AVEUGLE				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation d'une bibliothèque d'ADN métagénomique en aveugle (par échantillon)	32	_____\$/ Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	32	_____\$/ Échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP (2 x 250 bp)	1	_____\$/ Cuve de circul ation	
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP1 (1 x 150 bp)	1	_____\$/ Cuve de circul ation	
0,5	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP2 (1 x 150 bp)	1	_____\$/ Cuve de circul ation	
0,6	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP4 (1 x 150 bp)	1	_____\$/ Cuve de circul ation	
Total				T2

3A. SÉQUENÇAGE DU GÉNOME ENTIER DES GÉNOMES BACTÉRIENS – LECTURE COURTE				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation de la bibliothèque	24	_____\$/	



			Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	24	_____\$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 300 bp	1	_____\$/ piste	
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP (2 x 250 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
Total				T3A

3B. SÉQUENÇAGE DU GÉNOME ENTIER DES GÉNOMES BACTÉRIENS – LECTURE LONGUE				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation de la bibliothèque	8	_____\$/ Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	8	_____\$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Séquençage séquençage en temps réel à molécule unique avec PacBio Sequel	1	_____\$/ Cellulaire	
Total				T3B

4. SÉQUENÇAGE DE L'ARN DES TRANSCRIPTOMES BACTÉRIENS				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				



0,1	Bioanalyseur des échantillons d'ARN (par échantillon)	24	_____\$/ Échantillon	
0,2	Préparation de la bibliothèque de séquençage de l'ARN (par échantillon)	24	_____\$/ Échantillon	
0,3	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	24	_____\$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S1 PE150	1	_____\$/ Cuve de circulation	
0,5	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S2 PE150	1	_____\$/ Cuve de circulation	
0,6	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S4 PE150	1	_____\$/ Cuve de circulation	
Total				T4

5. FRAIS D'ÉLIMINATION (s'il y a lieu) Les soumissionnaires doivent entrer une valeur ici. S'il n'y a aucun frais, inscrire 0,00 \$.	_____\$/ Échantillon	
Total		T5

Coût total pour la période initiale de l'offre à commandes (T1+T2+T3A+T3B+T4+T5) =

PRIX POUR LA PREMIÈRE PÉRIODE D'OPTION

1. SÉQUENÇAGE DU GÈNE DE L'ARNr 16S				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	PCR (par échantillon)	388	_____\$/ échantillon	



0,2	Codage à barres des amplicons (par échantillon)	388	_____\$/ échantillon	
0,3	Normalisation des amplicons (par échantillon)	388	_____\$/ échantillon	
0,4	Contrôle de la qualité de la bibliothèque d'amplicons (par bibliothèque)	1	_____\$/ bibliothèque	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,5	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 300 bp	1	_____\$/ Cycle	
0,6	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 250 bp	1	_____\$/ Cycle	
Total				T1

2. SÉQUENÇAGE MÉTAGÉNOMIQUE EN AVEUGLE				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation d'une bibliothèque d'ADN métagénomique en aveugle (par échantillon)	32	_____\$/ Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	32	_____\$/ Échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP (2 x 250 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP1 (1 x 150 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
0,5	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP2 (1 x 150 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	



0,6	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP4 (1 x 150 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
Total				T2

3A. SÉQUENÇAGE DU GÉNOME ENTIER DES GÉNOMES BACTÉRIENS – LECTURE COURTE

Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation de la bibliothèque	24	_____\$/ Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	24	_____\$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 300 bp	1	_____\$/ piste	
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP (2 x 250 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
Total				T3A

3B. SÉQUENÇAGE DU GÉNOME ENTIER DES GÉNOMES BACTÉRIENS – LECTURE LONGUE

Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation de la bibliothèque	8	_____\$/ Échantillon	



0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	8	_____\$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Séquençage séquençage en temps réel à molécule unique avec PacBio Sequel	1	_____\$/ Cellulaire	
Total				T3B

4. SÉQUENÇAGE DE L'ARN DES TRANSCRIPTOMES BACTÉRIENS				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A × B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Bioanalyseur des échantillons d'ARN (par échantillon)	24	_____\$/ Échantillon	
0,2	Préparation de la bibliothèque de séquençage de l'ARN (par échantillon)	24	_____\$/ Échantillon	
0,3	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	24	_____\$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S1 PE150	1	_____\$/ Cuve de circul ation	
0,5	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S2 PE150	1	_____\$/ Cuve de circul ation	
0,6	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S4 PE150	1	_____\$/ Cuve de circul ation	
Total				T4



5. FRAIS D'ÉLIMINATION (s'il y a lieu) Les soumissionnaires doivent entrer une valeur ici. S'il n'y a aucun frais, inscrire 0,00 \$.	_____/ \$/ Échantillon	
Total		T5

Coût total pour la la première période d'option: (T1+T2+T3A+T3B+T4+T5) =

PRIX POUR LA DEUXIÈME PÉRIODE D'OPTION

1. SÉQUENÇAGE DU GÈNE DE L'ARNr 16S				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	PCR (par échantillon)	388	_____/ \$/ échantillon	
0,2	Codage à barres des amplicons (par échantillon)	388	_____/ \$/ échantillon	
0,3	Normalisation des amplicons (par échantillon)	388	_____/ \$/ échantillon	
0,4	Contrôle de la qualité de la bibliothèque d'amplicons (par bibliothèque)	1	_____/ \$/ bibliothèque	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,5	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 300 bp	1	_____/ \$/ Cycle	
0,6	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 250 bp	1	_____/ \$/ Cycle	
Total				T1

2. SÉQUENÇAGE MÉTAGÉNOMIQUE EN AVEUGLE				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)



PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation d'une bibliothèque d'ADN métagénomique en aveugle (par échantillon)	32	_____\$/ Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	32	_____\$/ Échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP (2 x 250 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP1 (1 x 150 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
0,5	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP2 (1 x 150 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
0,6	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP4 (1 x 150 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
Total				T2

3A. SÉQUENÇAGE DU GÉNOME ENTIER DES GÉNOMES BACTÉRIENS – LECTURE COURTE				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation de la bibliothèque	24	_____\$/ Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	24	_____\$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				



0,3	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 300 bp	1	<u> </u> \$/ piste	
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP (2 x 250 bp)	1	<u> </u> \$/ Cuve de circulation	
Total				T3A

3B. SÉQUENÇAGE DU GÉNOME ENTIER DES GÉNOMES BACTÉRIENS – LECTURE LONGUE

Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
-------	-------------	--------------------------------	---	-------------------------------

PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE

0,1	Préparation de la bibliothèque	8	<u> </u> \$/ Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	8	<u> </u> \$/ échantillon	

OPTIONS DE SÉQUENÇAGE

0,3	Séquençage séquençage en temps réel à molécule unique avec PacBio Sequel	1	<u> </u> \$/ Cellulaire	
Total				T3B

4. SÉQUENÇAGE DE L'ARN DES TRANSCRIPTOMES BACTÉRIENS

Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
-------	-------------	--------------------------------	---	-------------------------------

PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE

0,1	Bioanalyseur des échantillons d'ARN (par échantillon)	24	<u> </u> \$/ Échantillon	
0,2	Préparation de la bibliothèque de séquençage de l'ARN (par échantillon)	24	<u> </u> \$/ Échantillon	



0,3	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	24	_____/ \$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S1 PE150	1	_____/ \$/ Cuve de circulation	
0,5	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S2 PE150	1	_____/ \$/ Cuve de circulation	
0,6	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S4 PE150	1	_____/ \$/ Cuve de circulation	
Total				T4

5. FRAIS D'ÉLIMINATION (s'il y a lieu) Les soumissionnaires doivent entrer une valeur ici. S'il n'y a aucun frais, inscrire 0,00 \$.		_____/ \$/ Échantillon	
Total			T5

Coût total de la deuxième période d'option (T1+T2+T3A+T3B+T4+T5) = _____

PRIX POUR LA TROISIÈME PÉRIODE D'OPTION

1. SÉQUENÇAGE DU GÈNE DE L'ARNr 16S				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	PCR (par échantillon)	388	_____/ \$/ échantillon	
0,2	Codage à barres des amplicons (par échantillon)	388	_____/ \$/ échantillon	
0,3	Normalisation des amplicons (par échantillon)	388	_____/ \$/ échantillon	
0,4	Contrôle de la qualité de la bibliothèque d'amplicons (par bibliothèque)	1	_____/ \$/ bibliothèque	



OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,5	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 300 bp	1	_____/Cycle \$	
0,6	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 250 bp	1	_____/Cycle \$	
Total				T1

2. SÉQUENÇAGE MÉTAGÉNOMIQUE EN AVEUGLE				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation d'une bibliothèque d'ADN métagénomique en aveugle (par échantillon)	32	_____/Échantillon \$	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	32	_____/Échantillon \$	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP (2 x 250 bp)	1	_____/Cuve de circulation \$	
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP1 (1 x 150 bp)	1	_____/Cuve de circulation \$	
0,5	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP2 (1 x 150 bp)	1	_____/Cuve de circulation \$	
0,6	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP4 (1 x 150 bp)	1	_____/Cuve de circulation \$	
Total				T2



3A. SÉQUENÇAGE DU GÉNOME ENTIER DES GÉNOMES BACTÉRIENS – LECTURE COURTE				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation de la bibliothèque	24	_____\$/ Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	24	_____\$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Opération de séquençage Illumina MiSeq PE 300 bp	1	_____\$/ piste	
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 SP (2 x 250 bp)	1	_____\$/ Cuve de circulation	
Total				T3A

3B. SÉQUENÇAGE DU GÉNOME ENTIER DES GÉNOMES BACTÉRIENS – LECTURE LONGUE				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Préparation de la bibliothèque	8	_____\$/ Échantillon	
0,2	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	8	_____\$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,3	Séquençage séquençage en temps réel à molécule unique avec PacBio Sequel	1	_____\$/ Cellulaire	
Total				T3B



4. SÉQUENÇAGE DE L'ARN DES TRANSCRIPTOMES BACTÉRIENS				
Point	Description	Nbre estimatif d'unités (A)	Prix unitaire ferme offert (\$CAN) (B)	Prix calculé (C) = (A x B)
PRÉPARATION DE LA BIBLIOTHÈQUE				
0,1	Bioanalyseur des échantillons d'ARN (par échantillon)	24	_____/ \$/ Échantillon	
0,2	Préparation de la bibliothèque de séquençage de l'ARN (par échantillon)	24	_____/ \$/ Échantillon	
0,3	Contrôle de qualité de la bibliothèque (par échantillon)	24	_____/ \$/ échantillon	
OPTIONS DE SÉQUENÇAGE				
0,4	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S1 PE150	1	_____/ \$/ Cuve de circulation	
0,5	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S2 PE150	1	_____/ \$/ Cuve de circulation	
0,6	Cuve de circulation NovaSeq 6000 S4 PE150	1	_____/ \$/ Cuve de circulation	
Total				T4
5. FRAIS D'ÉLIMINATION (s'il y a lieu) Les soumissionnaires doivent entrer une valeur ici. S'il n'y a aucun frais, inscrire 0,00 \$.			_____/ \$/ Échantillon	
Total				T5

Coût total de la troisième période d'option (T1+T2+T3A+T3B+T4+T5) = _____

Coût total pour la période initiale de l'offre à commandes : _____

Coût total pour la première période d'option (1) + _____

Coût total pour la deuxième période d'option (2) + _____



Coût total pour la troisième période d'option (3) + _____

COÛT TOTAL pour l'ensemble des périodes = _____

Le fournisseur doit indiquer ce qui suit :

Nom du fournisseur/de l'entreprise : __

Signature : _

Date :